

Genomisk information indgår i køers avlsværdital

Anders Fogh, Emma Carlén og Elina Paakala

For kvier beregnes avlsværditalene generelt på grundlag af avlsværditalene på forældrene. Dog er det anderledes for kvier som er genomisk testede. For disse dyr er avlsværditalene baseret på genomisk information.

Når kvien kælver ændres de informationskilder som påvirker avlsværditalene for ydelse, eksteriør, malketid, temperament og yversundhed. Indtil august 2012 blev avlsværditalene beregnet på basis af afstammingsinformation og egne registreringer for alle køer, uanset om de er genomisk testet eller ej. Dette betyder, at den genomiske information ikke indgik i avlsværditalene for genomisk testede køer.

For alle andre egenskaber er avlsværditalene baseret på afstammingsinformation for køer, der ikke er genomisk testede, mens de er baseret på genomisk information for køer med en genomisk test.

Årsagen til at vi ikke tidligere har offentliggjort avlsværdital for køer som både indeholder registreringer og genomiske test er fordi det er en ny teknik, som stadig er under udvikling.

Både registreringer og genomisk information indgår i avlsværdital for køer

Teknikkerne bliver dog løbende forbedret, og fra beregningen af avlsværdital i august indgår både registreringer og information fra genomiske test i avlsværditalene for køer. Dette giver mere sikre avlsværdital, men samtidig kan det resultere i ændringer i avlsværditalene for genotypede køer.

Sammenligning af avlsværdital for ydelse, eksteriør, malketid, temperament og yversundhed fra avlsværdivurderingerne i maj og august viser, at de fleste genotypede køer ændrer sig mindre end 3 indeksenheder, mens enkelte ændre sig mere end 10 indeksenheder. Der vil derfor være nogen rerangering blandt genotypede køer.

Ingen ændring for andre dyr

For køer uden genomisk test vil der ikke være nogen ændringer som følge af dette. Det samme gælder for kvier og insemineringstyre