Internationella genomiska avelsvärden för Holstein

Elina Paakala (NAV/Faba), Emma Carlén (NAV/Växa Sverige) och Anders Fogh (NAV/VFL)

Interbull beräknar nu genomiska avelsvärden för unga Holsteintjurar. Dessa avelsvärden beräknades för första gången i april 2014 och publicerades för första gången i Danmark, Finland och Sverige i slutet av maj. Framöver kommer internationella genomiska avelsvärden uppdateras och publiceras samtidigt som traditionella internationella avelsvärden från Interbull, vilket innebär tre gånger per år (april, augusti, december).

Alla Interbullavelsvärden återfinns på NAVs söksida för Interbullresultat där de presenteras på samma skala som i våra nordiska länder. I Sverige når du sidan från Webbtjuren [http://www.sweebv.info] under fliken Interbullresultat.

I Interbullavelsvärderingen i april ingick 11 Holsteinpopulationer i den genomiska avelsvärderingen, men antalet för respektive egenskapsgrupp varierade (Tabell 1). Omkring 6500 unga Holsteintjurar fick genomiska avelsvärden för produktion, exteriör, juverhälsa och fruktsamhet. För livslängd, kalvningar och mjölkbarhet så var antalet tjurar något lägre.

Genomiska avelsvärden publiceras för samma egenskaper som traditionella avelsvärden från Interbull, med undantag för lynne där det ännu inte finns genomisk avelsvärdering.

Tabell 1. Populationer som ingick i Interbulls genomiska avelsvärdering för olika egenskapsgrupper i april 2014.

	AUS	CAN	CHR	DEU	DFS	ESP	FRA	GBR	ITA	NLD	POL
Produktion	x	x	x	x	x	x	x	x	x	x	x
Exteriör		x	x	x	x	x	x	x	x	x	x
Juverhälsa		x	x	x	x	x	x	x	x	x	x
Livslängd		x	x	x			x	x	x	x	
Kalvningar		x		x	x			x	x	x	
Fruktsamhet		x	x	x	x		x	x	x	x	x
Mjölkbarhet		x		x	x			x		x	

AUS = Australien, CAN = Kanada, CHR = Schweiz (Röd Holstein), DEU = Tyskland och Österrike, DFS = Danmark, Finland och Sverige, ESP = Spanien, FRA = Frankrike, GBR = Storbritannien, ITA = Italien, NLD = Nederländerna, POL = Polen.

Enligt topplistan för Holsteintjurar baserat på Interbullavelsvärden så har 117 tjurar ett NTM på 30 eller högre. Utav dessa är det endast 4 som har dotterinformation, så huvuddelen är unga tjurar med endast genomiska avelsvärden. Det visar att yngre tjurar i snitt har en högre genetisk nivå än äldre tjurar tach vare avelsframsteget. Viktigt att tänka på är att yngre tjurar har lägre säkerhet på sina avelsvärden än vad de avkommeprövade har, vilket innebär att de kan förändras (uppåt eller neråt) när dotterinformation tillkommer. Av de 117 topptjurarna på NTM så kommer 44 från de tre nordiska länderna i NAV (Danmark 35, Sverige 6 och Finland 3).

En och samma tjur kan ha genomiska avelsvärden för vissa egenskaper och traditionella avelsvärden baserade på döttrar för andra egenskaper. Det beror på att resultat från avkommeprövning finns tillgängligt tidigare för en del egenskaper, såsom kalvningar, jämfört med andra egenskaper som livslängd. Så fort tjuren har ett traditionellt avelsvärde baserat på döttrar så ersätter det ett genomiskt avelsvärde. Typ av avelsvärde för en viss egenskap för tjur indikeras i dagsläget bara av tjurens födelseår samt genom att titta på antal döttrar på NAVs söksida för interbullavelsvärden.

Internationella genomiska avelsvärden för Holstein gör det lättare att jämföra även unga tjurar mellan länder.