

## Mere sikre avlsværdital for klovsundhed

Emma Carlén (NAV/Växa Sverige), Anders Fogh (NAV/SEGES) and Terhi Vahlsten (NAV/Faba)

*Den vigtigste ændring ved introduktionen af en forbedret avlsværdivurdering for klovsundhed i november 2015 er, at sikkerheden på køernes avlsværdital er øges markant. Dette skyldes, at køernes egne klovbeskæringer også indgår i avlsværditalene og ikke, som tidligere, kun afstammingsinformation.*

Sverige, og senere de øvrige nordiske lande, har været pionerer indenfor registrering og avlsværdivurdering af klovsundhed. Avlsværdivurderingen i de nordiske lande omfatter i dag syv forskellige klovsygdomme i 1. – 3. laktation. En traditionel avlsværdivurdering baseret på klovbekærrerdata blev indført i Sverige allerede i 2006 og i nordisk regi i 2011. Avlsværdital som også inkluderer genomisk information blev indført i 2014.

Avlsværdivurderingen for klovsundhed blev forbedret i november 2015. Den vigtigste ændring er, at køernes egne klovbeskæringer indgår i deres avlsværdital. Dette medfører højere sikkerheder på avlsværdital for køer, der er klovbeskårne.

### **Nogen ændringer i køernes avlsværdital**

Den forøgede sikkerhed på køernes avlsværdital medfører, at deres avlsværdital kan ændre sig mere end normalt. Sammenhængen mellem køernes avlsværdital i november 2015 og avlsværditalene i august 2015 er omkring 0,85, mens den tilsvarende sammenhæng for tyre er omkring 0,95 – dog lidt lavere for Jersey.

Der er også sket andre ændringer i avlsværdivurderingen for klovsundhed, blandt andet er de genetiske parametre opdateret og en ny metode til beregning af sikkerheder er indført. Sidstnævnte betyder at tyrenes sikkerheder er faldet lidt i forhold til tidligere. Endelig er datakvalitet forbedret.

### **Højere sikkerhed på hundyr og tyre som er genomisk testede**

NAV har i de senere år løbende ændret de modeller, som bruges i avlsværdivurderingen for flere egenskabsgrupper. Der ændres til modeller hvor køernes egne registreringer indgår i deres avlsværdital. Årsagen er, at køer dermed kan indgå i referencegruppen bag de genomiske avlsværdital. Avlsværdital som inkluderer genomisk information bliver dermed mere sikre for testede hundyr og tyre, fordi der fremover kun afprøves et begrænset antal tyre som kan indgå i referencepopulationen.

For klovsundhed er udviklingsarbejdet med at inddrage køerne i referencegruppen endnu ikke udført. Dette vil ske på et senere tidspunkt.