

## Genomiske avlsværdital forbedres med information fra hundyr

Anders Fogh, Emma Carlén og Terhi Vahlsten

De genomiske avlsværdital for kælvning, frugtbarhed, klovsundhed, generel sundhed og holdbarhed bliver fra februar 2018 forbedret med information fra hundyr. Den største effekt af dette ses på avlsværditalene for klovsundhed og generel sundhed (alle racer), men der ses også en effekt på kælvningsegenskaberne for RDC og Jersey.

Flere køer bliver genomisk testet. Derfor er det nu muligt for NAV at forbedre avlsværdiurdering for mange egenskaber, ved at inddrage information fra hundyr. I februar bliver avlsværditalene for kælvning, frugtbarhed, klovsundhed, generel sundhed og holdbarhed forbedret. Den eneste egenskab, der fortsat kun er baseret på information fra afprøvede tyre, er ungdyroverlevelse.

### Størst ændring for generel sundhed og klovsundhed

Effekten af at tilføje hundyr til referencen afhænger af, hvor meget information der var tilgængelig før. Generel sundhed og klovsundhed var de egenskaber med mindst tilgængelig information. For disse egenskaber, samt for kælvningsegenskaber hos RDC og Jersey, ses derfor de største ændringer i avlsværdital. I tabel 1 vises ændringerne for unge genomiske tyre. Ændringer i samme omfang ses også for genomisk testede kvier.

Tabel 1. Frekvensen (%) af unge genomisk testede tyre, født fra 2015-2016, med ændringer i indekser for kælvning, frugtbarhed, klovsundhed, generel sundhed og holdbarhed, mellem publicerede avlsværdital fra november 2017 og februar 2018.

Ændring i indeks- enheder	Kælvning			Frugtbarhed			Generel sundhed			Klovsundhed			Holdbarhed		
	RDC	HOL	JER	RDC	HOL	JER	RDC	HOL	JER	RDC	HOL	JER	RDC	HOL	JER
< -9										5		6			
-9 - -7			2	2	5	1			1	14	1	7	1		2
-6 - -4	6	1	10	13	23	13	6	10	5	13	11	13	17	1	21
-3 - +3	56	98	57	83	72	80	85	87	65	44	72	53	81	98	76
+4 - +6	29	1	16	2		6	9	3	19	7	11	9	1	1	1
+7 - +9	6		5						10	8	5	8			
> +9	3		10							9	1	4			

### Genomiske avlsværdital for klovsundhed for Jersey

Udover de førnævnte forbedringer bliver genomiske avlsværdital for klovsundhed introduceret for Jersey. Det betyder, at i beregningen af NTM for genomisk testede ungdyr, bliver afstammingsindekser nu erstattet af indekser med genomisk information. Dette giver en højere sikkerhed på avlsværditallet for klovsundhed hos Jersey.